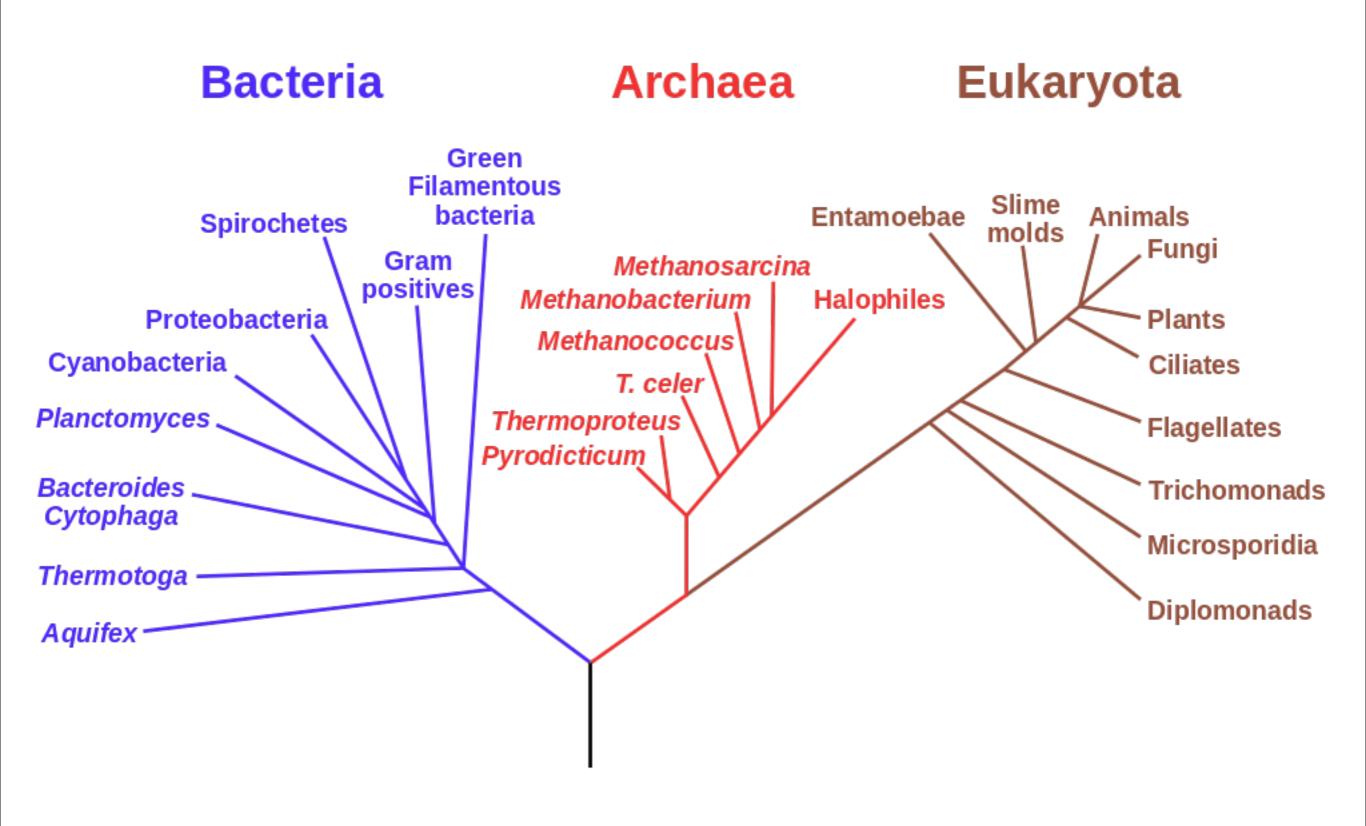
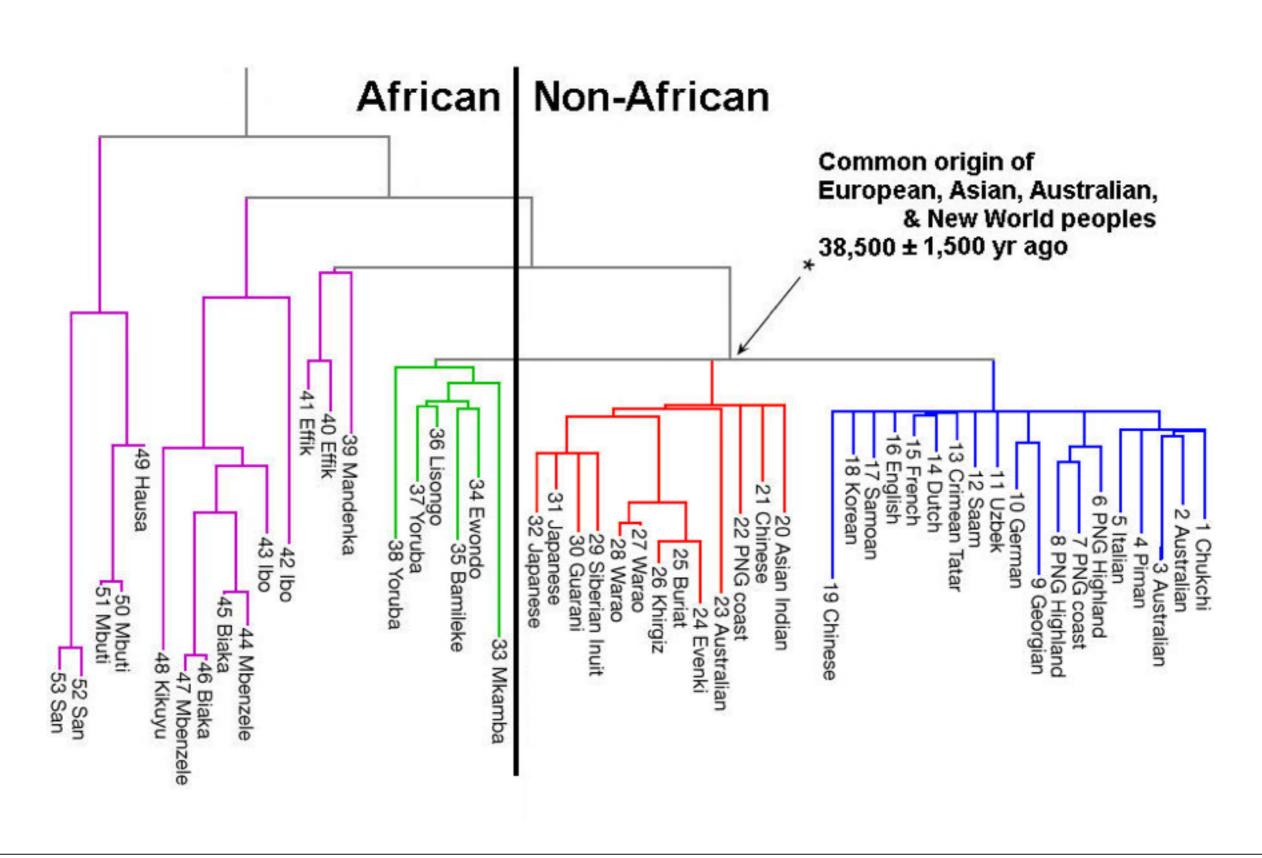
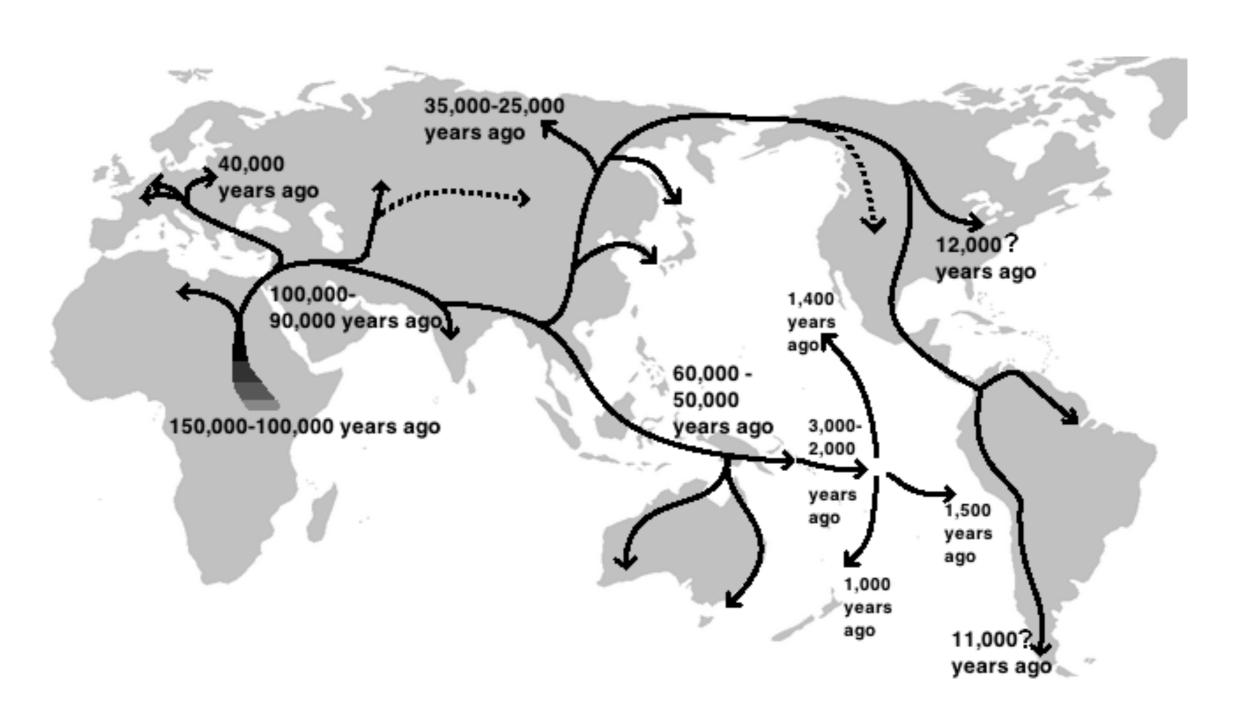
Phylogenetic Tree of Life





Эволюция

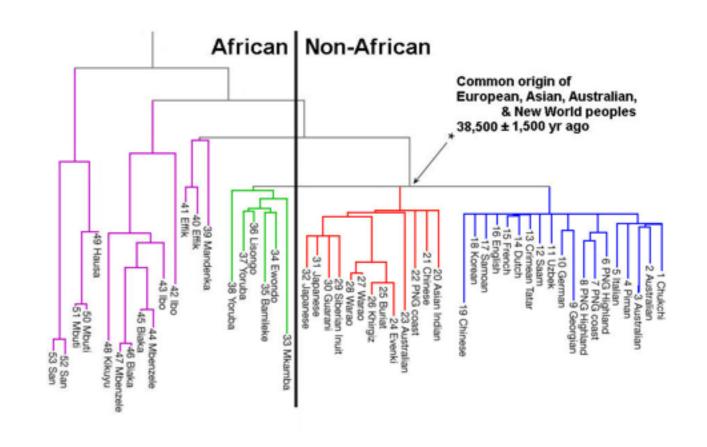


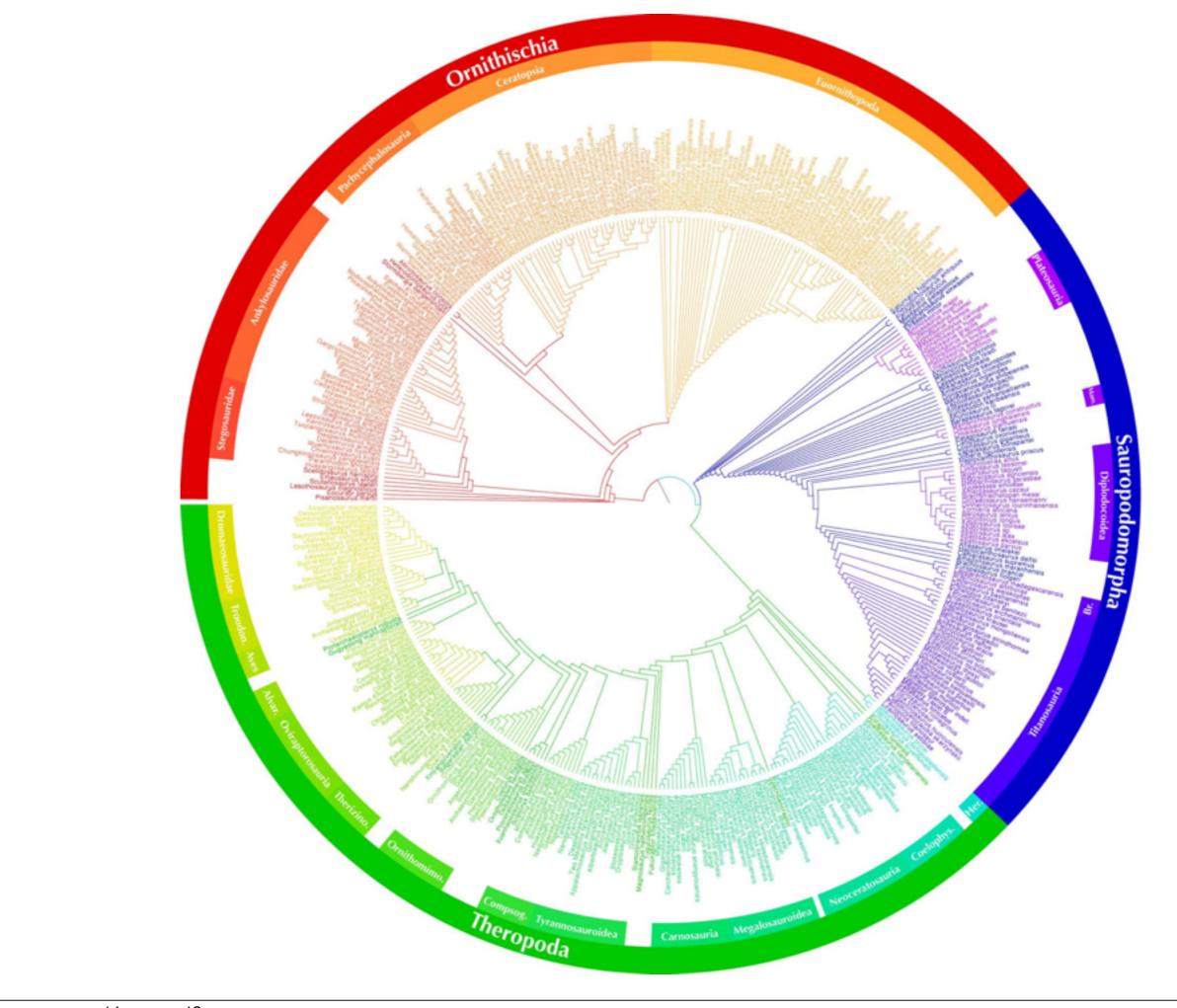
Филогенетическое дерево

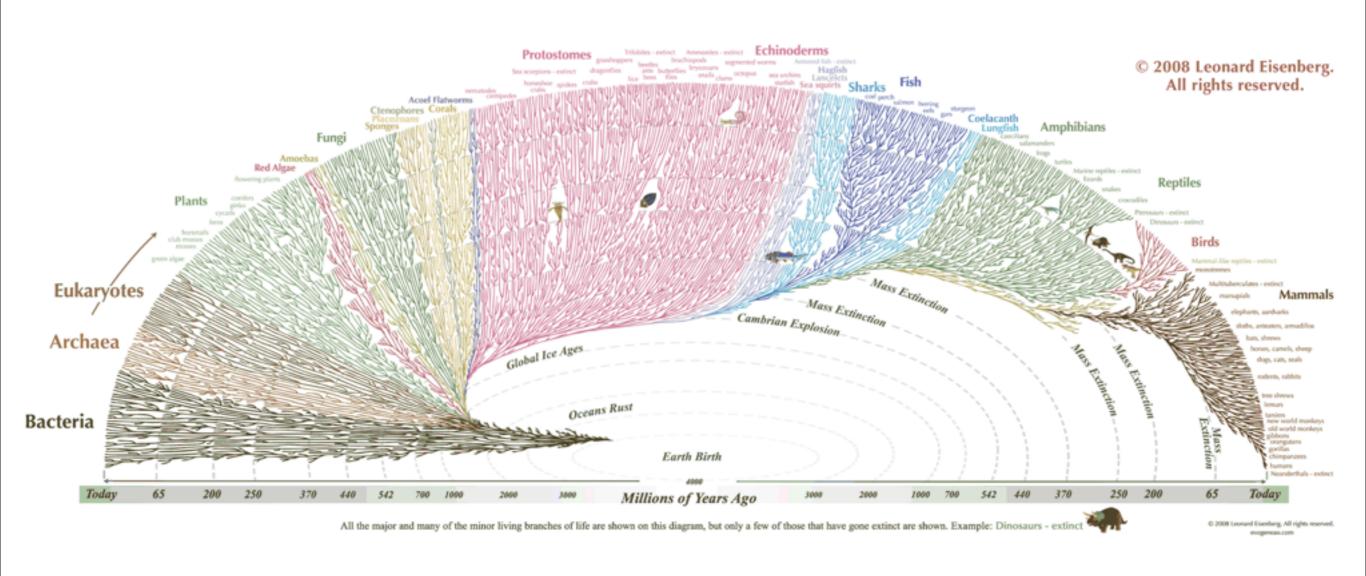
Листья – существующие виды.

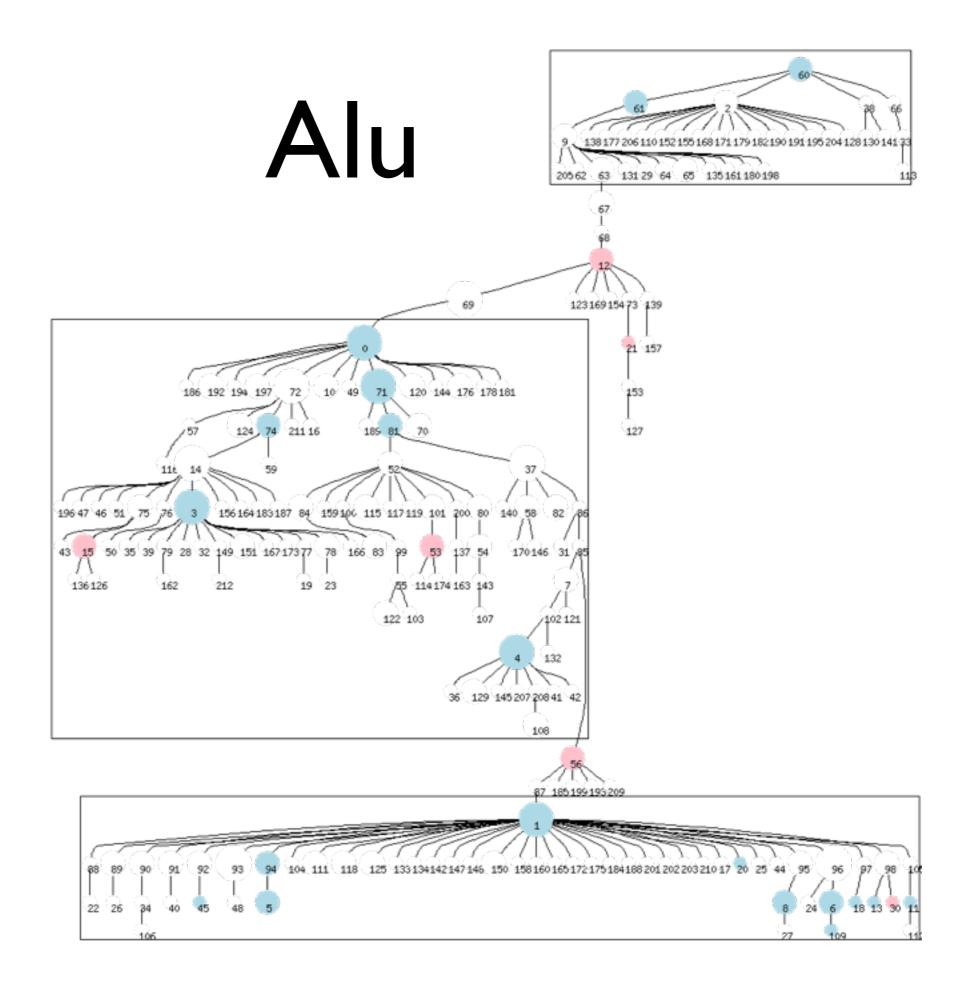
Внутренние вершины – предки.

Корень – общий предок всех видов.

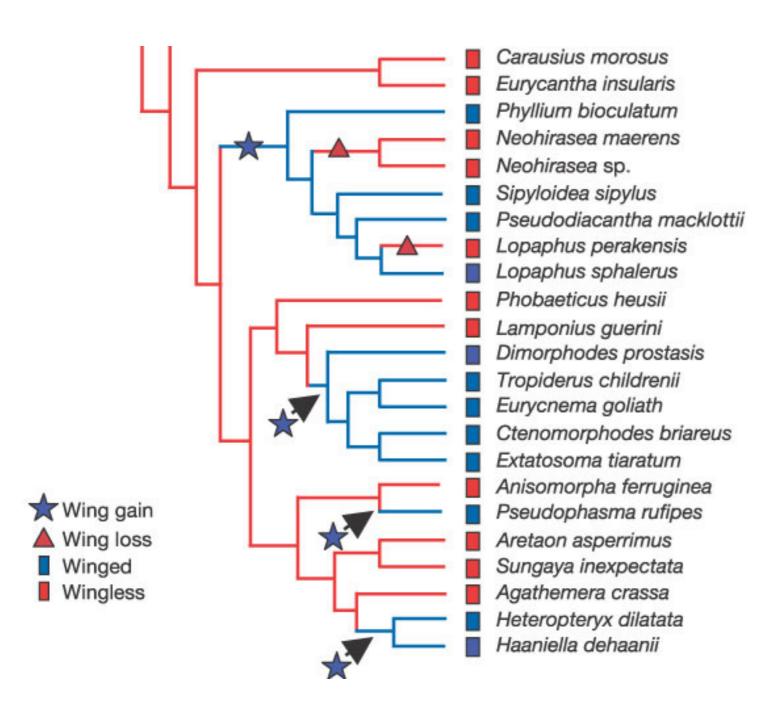




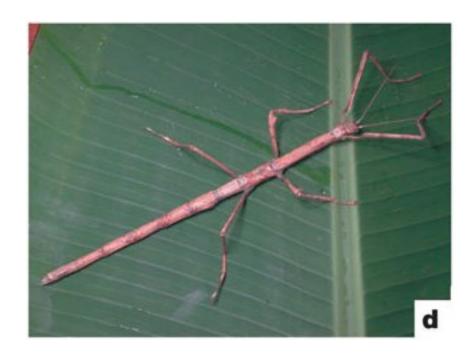




Гомоплазия







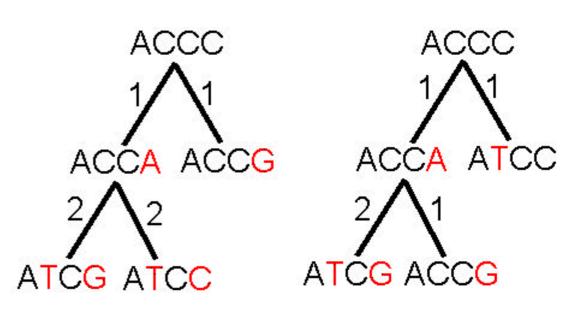
Переизобретение крыльев

Parsimony Problem

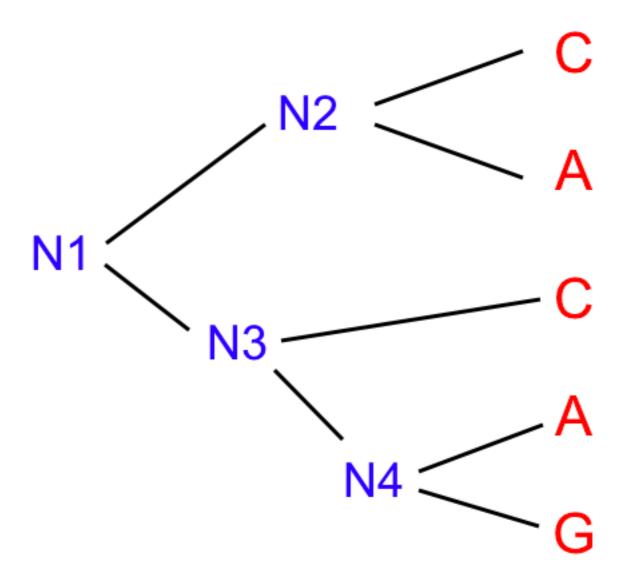
Дано: дерево с последовательностями на листьях.

Восстановить: последовательности на промежуточных вершинах.

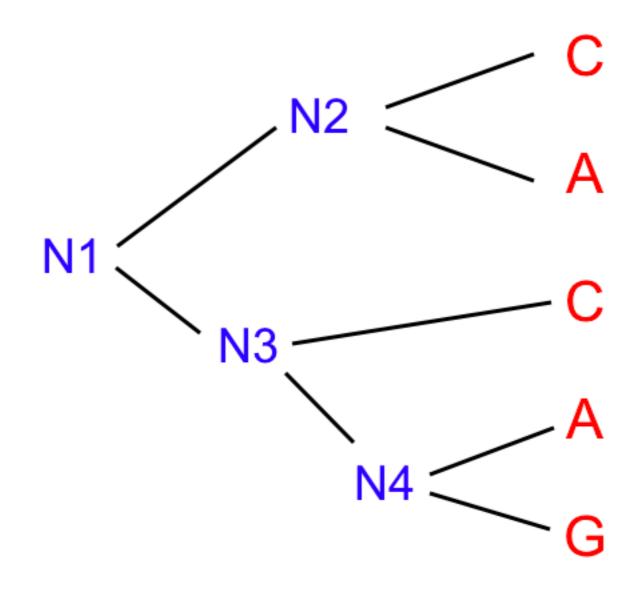
Минимизируем: суммарное расстояние Хэмминга на рёбрах дерева.



Fitch Algorithm

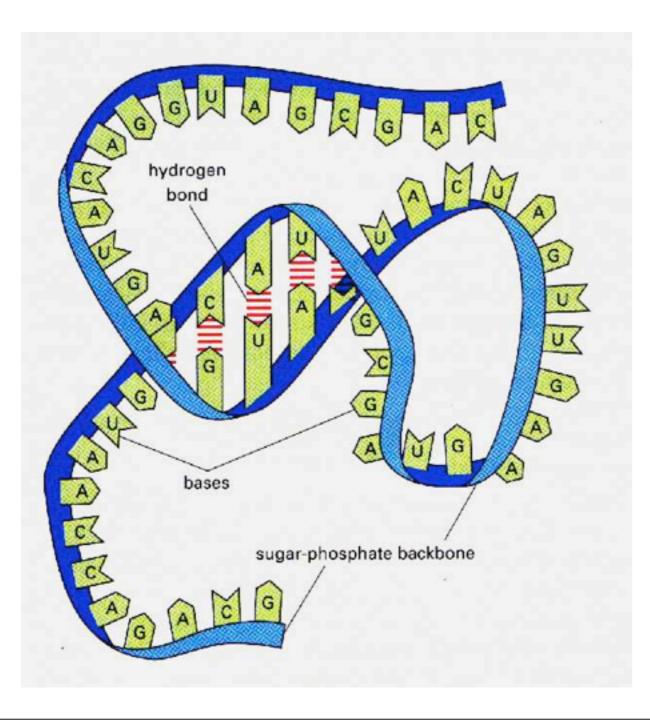


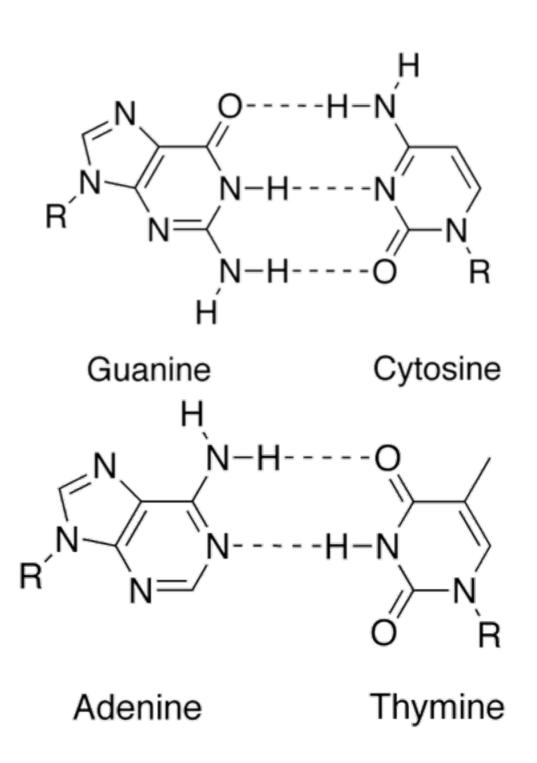
Sankoff Algorithm



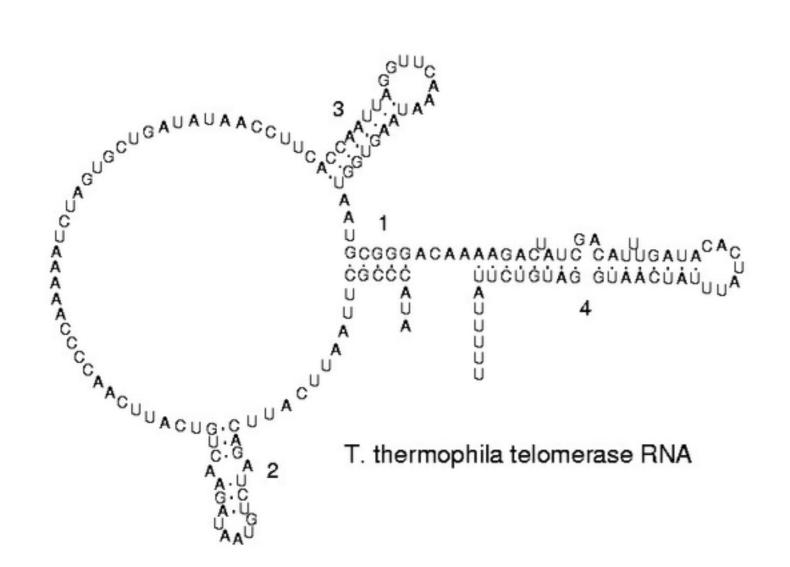
Large Parsimony

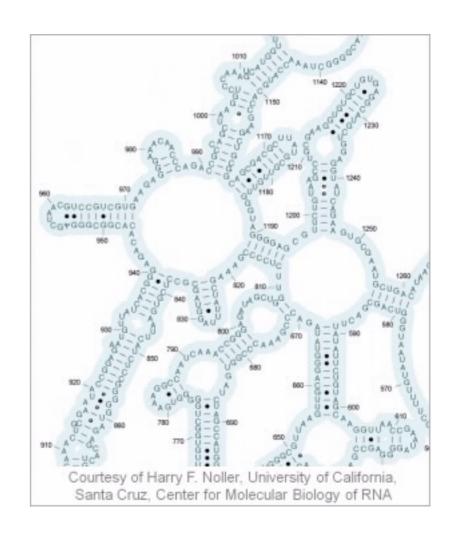
РНК



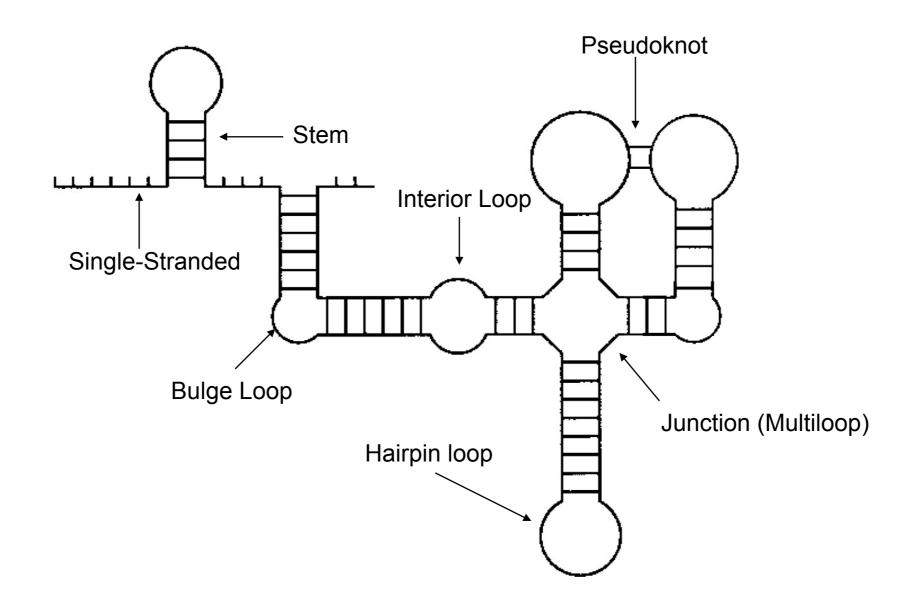


Структура РНК



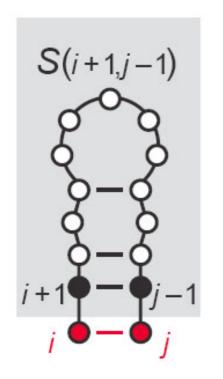


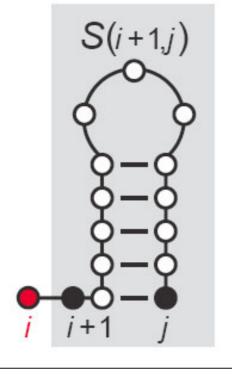
Структура РНК

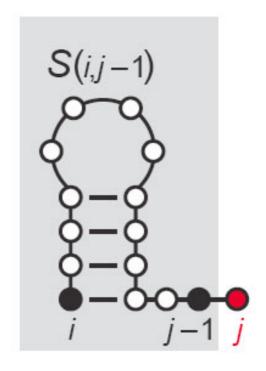


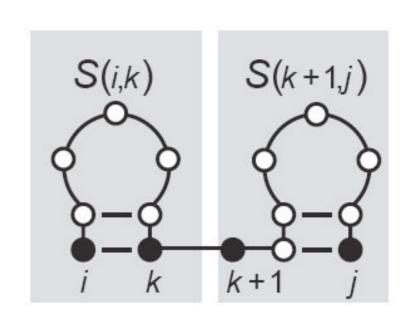
Структура РНК

$$S(i,j) = \max \begin{cases} S(i+1,j-1) + 1 & \text{[if } i,j \text{ base pair]} \\ S(i+1,j) \\ S(i,j-1) \\ \max_{i < k < j} S(i,k) + S(k+1,j) \end{cases}$$









Набор



http://bioinformaticsinstitute.ru

http://bioinf.me

Магистратура в СПбАУ РАН:

http://mit.spbau.ru/bioinf



Летняя школа:

http://bioinformaticsinstitute.ru/summer2013

